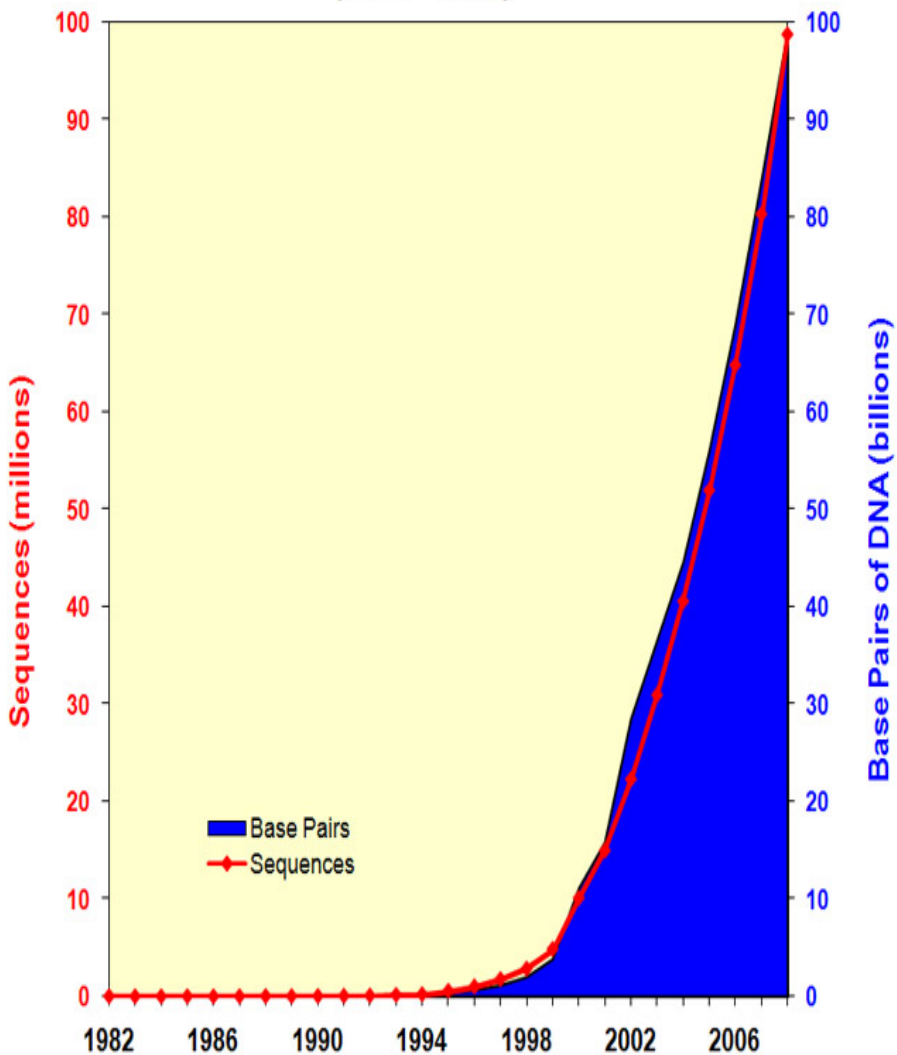


生物情報の爆発的増加は、データベース技術だけでなく、生物情報を読み解くための手法、さらには各種情報を統合化し、システムとして理解する研究を必要としている。

Growth of GenBank  
(1982 - 2008)

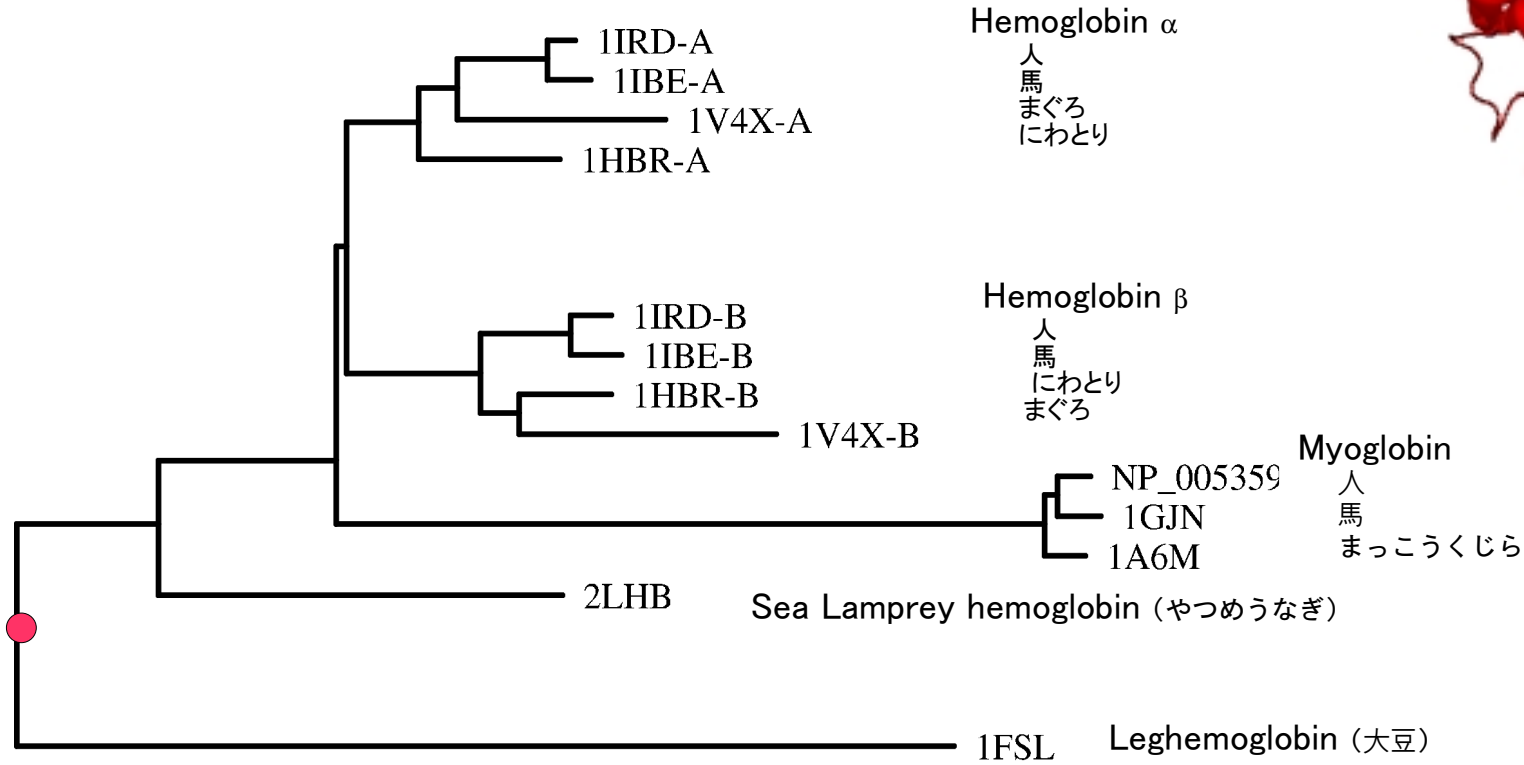


- 1975 Sanger's sequencing method
- 1977 Maxam-Gilbert's sequencing method
- 1993-2003 Human genome project

配列解析が完了している生物種

生物分類	生物種の数 (草案)		例
古細菌(Archeabacteria)	67	13	
細菌(Bacteria)	911	1027	大腸菌
菌類(Fungi)	10	75	イースト菌
原生動物(Protozoa)	6	24	
植物(Plant)	2	11	シロイヌナズナ、稲
動物(Animalia)	1	11	線虫
	1	21	ショウジョウバエ
	0	3	ふぐ
	0	2	にわとり
	1	28	マウス, ラット, 犬
	1	1	ヒト, チンパンジー

# Rooted tree by neighbor-joining method



0.10

